

Candidature Post-Doc

Vous êtes Docteur et vous souhaitez déposer votre proposition de candidature dans le cadre du dispositif MOBIDOC Post-Doc, merci de remplir les champs suivants :

Nouvelle édition MOBIDOC Créativité



Projet financé par
l'Union européenne

Important *



En cochant cette case, je confirme que les informations saisies dans ce formulaire n'ont pas un caractère confidentiel et j'accepte de les diffuser sur le site web de l'ANPR.

Informations sur le Docteur :

Nom : *

MEHREZ

Prénom : *

Fatma

Adresse : *

Jardin d'el menzah 2

Ville : *

Tunis

Code postal :

2094

Gouvernorat : *

Ariana



Tél. mobile : *

97004313

Email : *

fatma.mehrez@fst.utm.tn

Expérience professionnelle (s'il y en a) :

0

Informations à propos du diplôme de doctorat et des travaux de recherche et innovation (R&I) envisagés

Etablissement universitaire d'obtention du doctorat : *

faculté des sciences de Tunis

Structure de recherche du doctorat : *

laboratoire de génétique immunologie et pathologie humaine

Discipline à laquelle appartient le diplôme de doctorat : *

sciences biologiques

Année d'obtention : *

2021

Intitulé de la thèse : *

téломères, telomérase et cancer du tractus gastro-intestinal en Tunisie

Bref descriptif de la thèse : *

Le raccourcissement des télomères est supposé être impliqué dans la cancérogenèse et d'autres maladies humaines. Ce phénomène peut conduire à une instabilité chromosomique, contribuant à une immortalisation cellulaire et à l'induction tumorale. Une activité élevée de la télomérase a été détectée dans 80% des tissus cancéreux et sa corrélation avec la longueur des télomères a été démontrée dans plusieurs études, mais sa régulation n'est pas encore bien élucidée. Dans notre étude, nous avons analysé le comportement de la longueur absolue des télomères au cours de la progression tumorale chez des patients tunisiens atteints d'un cancer digestif en utilisant la PCR quantitative (q-PCR). Nous avons pu distinguer 2 groupes de tissus tumoraux : Un groupe avec des télomères plus courts que ceux des tissus sains et un autre avec des télomères égaux ou plus longs que ceux des tissus sains. Nous avons observé qu'à partir de 60 ans, la longueur des télomères augmente avec l'âge dans le tissu sain et que, dans les deux types tissulaires, les patients de moins de 60 ans avaient des télomères plus courts, ce qui suggère que le mécanisme d'allongement des télomères devient plus actif avec l'âge. Nous avons également constaté que la longueur des télomères varie considérablement en fonction du stade du cancer. Dans une deuxième partie, nous avons utilisé la technique de séquençage pour détecter les deux mutations -124C>T et -146C>T situées sur le chromosome 5, à l'intérieur du promoteur du gène « hTERT » codant la télomérase. Ces deux mutations somatiques semblent être impliquées dans la réactivation de la télomérase, en créant deux nouveaux sites de fixation à l'ADN pour le facteur de transcription ETS1 (proto-oncogène). Nous avons montré l'absence totale de ces deux mutations dans les deux tissus tumoraux et sains adjacents, ce qui prouve que la réactivation de la télomérase dans le cancer digestif ne dépend pas de ces deux mutations. Dans la dernière partie nous avons étudié, à travers la base de données TCGA, l'expression des micro-ARNs qui peuvent, selon les bases de données TargetScan, miRBase et miRTarBase, cibler la télomérase au cours de la progression tumorale dans le cancer digestif. Nous avons identifié un ensemble de miRs qui ont diminué leur expression du stade 1 au stade 2 et du stade 3 au stade 4 et un ensemble de miRs qui ont augmenté leur expression du stade 2 au stade 3 dans le cancer colique, gastrique et rectal ce qui explique le profil observé dans les résultats de la première partie. Etablir le profil d'expression de ces miRs dans chaque stade constitue un élément important dans la compréhension de la progression tumorale avec la perspective d'identification de nouveaux biomarqueurs pronostiques dépendants du stade.

Thème(s) de R&I envisagés dans le cadre du projet MOBIDOC : *

biologie moléculaire humaine/ pathologie moléculaire/bio-informatique

A quel(s) secteur(s) d'activité(s) pourrait éventuellement appartenir l'organisme bénéficiaire d'accueil visé ? *

hôpital/Société de recherche et développement/société d'intelligence artificielle appliquée à la biologie

Informations complémentaires (s'il y a lieu) :

Ce contenu n'est ni rédigé, ni cautionné par Google.

Google Forms